

Analyzing Disease Association of Single Nucleotide Polymorphisms in the PPARG Locus using Proteomics and Motif Binding Data

Czarnecki, Olaf, Otto-von-Taube-Gymnasium, Gauting (TUMKolleg)

In dieser Arbeit wurden die Loci rs7647481 und rs4684847 bioinformatisch untersucht, indem Massenspektroskopiedaten über Transkriptionsfaktor (TF) Bindung mit theoretischen, aus den Sequenzen und aus Motifdatenbanken generierten Binde-daten verknüpft und visualisiert wurden. Die Ergebnisse bestätigen, dass der Transkriptionsfaktor YY1 differenziell bindet. Ein starker Zusammenhang zwischen YY1 und Insulin-sensitivität wurde bereits festgestellt, was weitere Hinweise darauf liefert, dass die Loci für die Patophysiologie von Typ 2 Diabetes relevant sind.